

استخدام مؤشرات بصمة الدنا المتضاعف (DNA Amplification DAF Fingerprint) في دراسة التنوع الوراثي للرز *Oryza sativa L.*

نعمت جميل عبد الباقي*

تاريخ قبول النشر 2008/7/13

كلمات مفتاحية: بصمة الدنا المتضاعف، تنوع وراثي، نسق وراثي، مؤثرات الدنا.

الخلاصة:

اجريت هذه الدراسة لتحليل التنوع الوراثي لـ 10 اصناف من الرز الشائعة في العراق باستخدام واحدة من مؤشرات الدنا DNA markers وهي مؤشرات بصمة الدنا المتضاعف (DNA amplification (DAF) (fingerprint). تم تجربة ستة بادئات اظهرت النتائج عدم الحصول على نواتج تضاعف باستخدام البادئات OPT.14 و OPM.5، في حين اظهر البادئان OPX.8 و OPT.2 حزم مشتركة بين جميع الاصناف المدروسة. اما البادئان OPN.7 و OPX.1 فقد اظهرا نواتج تضاعف متباينة بين الاصناف المدروسة. وكان عدد الحزم الناتجة من استخدام احدهما (OPN.7) 16 حزمة، ولقد تم ايجاد 10 نسق وراثي كان متميزاً في الاصناف العشرة من الرز مما امكن تمييزهم باستخدام هذا البادئ وايجاد البصمة الوراثية لهذه الاصناف، اما عدد الحزم الناتجة من استخدام البادئ الثاني OPX.1 فكان 13 حزمة. ولقد انتج هذا البادئ 8 انواع من انواع النسق كان متميزاً لسته اصناف امكن تمييزها وايجاد البصمة الوراثية لها باستخدامه ومن هذا يستنتج امكانية تشخيص الاصناف العشرة المدروسة بتطبيق مؤشرات الـ DAF باستخدام بادئين فقط مما يدل على زيادة المعلومات التي يمكن الحصول عليها باستخدام عدد قليل من البادئات في هذا النوع من المؤشرات.

المقدمة

عالٍ من التنوع الحيوي ضروري جداً للحفاظ على

ثبات النظام البيئي [2].

ان دراسة التنوع الوراثي بين الانواع مهم للدراسات التصنيفية، وفي تحديد هوية النوع لما لذلك من جوانب تطبيقية كثيرة وخاصة في حفظ تلك الانواع وفي عمليات تنقية البذور وذلك باستبعاد البذور التي لا تتطابق مع البذور الاصلية وكذلك لحفظ حقوق مربي النباتات عند اكتشافه لصنف جديد، فضلاً عن اجراء الدراسات التطورية والبيئية عليها [3].

يقصد بالتنوع الوراثي الاختلافات الموجودة بين الافراد او التجمعات Populations التابعة لنوع معين والتي تتكون بتأثير القوى التطورية Evolutionary forces او نتيجة عمليات التربية [1] ويعد التنوع الوراثي احد الجوانب الاساسية للتنوع الحيوي Biodiversity والتي تعني التنوع الموجود بين الانواع المختلفة والحيوانات والكائنات الدقيقة والنباتات في مجتمعاتها الطبيعية وان المحافظة على مستوى

* جامعة بغداد - كلية العلوم - قسم علوم الحياة

التنوع الوراثي وايجاد البصمة الوراثية للعديد من النباتات مثل فول الصويا [10] والبطاطا الحلوة [11] والفسق [12]. وبالنظر لقلّة الدراسات على المستوى الجزيئي لنبات الرز ولاهمية هذا المحصول، لذا فقد جاءت هذه الدراسة للكشف عن التباينات الوراثية بين اصناف الرز الشائعة في العراق وتسلط الضوء عن التنوع الوراثي لهذا المحصول باستثمار مؤشرات الدنا ومنها مؤشرات بصمة الدنا المتضاعف DAF.

المواد وطرائق العمل

1- تحضير النماذج:

تم الحصول على حبوب عشرة اصناف من الرز *Oryza sativa* L. في العراق وهي من مجموعة (Indica group) وذلك من محطة ابحاث المحاصيل الحقلية التابعة الى وزارة الزراعة ومن تكنولوجيا البذور التابع الى وزارة العلوم والتكنولوجيا وهي: عنبر محلي- عنبر ابيض- عنبر قصير- اباء 1 - اباء 2 - عنبر فرات- عنبر بغداد- عنبر مناذرة- العباسية- بسمتي العراق. زرعت حبوب الرز للاصناف العشرة وتم غمرها بالماء حتى ظهور الاوراق لعزل الدنا منها.

2- عزل وتوصيف الدنا:

تمت عملية عزل دنا اصناف الرز وفقاً لطريقة [13] المعتمدة على طريقة [14] والتي اعتمدت نفسها في عزل دنا اصناف الرز من قبل [15]. كما تم قياس تركيزه وتقدير نقاوته استناداً الى [15] و [16].

3- تحضير تفاعلات الـ DAF :

تم استخدام الطريقة المعتمدة من قبل [17] في تحضير هذا النوع من التفاعلات إذ

لقد اعتمدت الصفات المظهرية Morphological traits في بادئ الامر كمؤشرات وراثية Genetic markers للتمييز بين الاصناف الا ان لها بعض المحددات منها انها تتأثر كثيراً بالظروف البيئية وتستند بظهورها على العديد من العوامل الوراثية [4]، اما المؤشرات الوراثية المعتمدة على المحتوى البروتيني والمتناظرات الانزيمية Isozymes والتي استخدمت كطرق تمييزية وتصنيفية [5] فقد ظهرت عليها بعض التحفظات كون ان هذه المؤشرات غير كفوءة بدرجة كافية للكشف عن التباينات بشكل مستقر وشامل اضافة الى قلة مؤشراتنا وتحدها بنوعية النسيج والمرحلة العمرية من جهة وتأثرها بالبيئة من جهة اخرى [6].

وبظهور مؤشرات الدنا DNA marker فقد اصبحت من الادوات المهمة لدراسة التنوع الوراثي والخيار الذي لا بديل له في تطوير الخطط الملائمة لحفظ الانواع [7] ويتوسع استعمال الـ PCR تم تطوير مجموعة من المؤشرات تستند على التفاعل التضاعفي لسلسلة (PCR) منها مؤشرات الـ (DNA Amplification) DAF (Fingerprint) بصمة الدنا المتضاعف والمكتشفة من قبل [8] وهي احد انواع مؤشرات الـ (Multipel Amplification MAAP) (النواتج المتضاعفة) Amplicon Profiling) المتعددة العشوائية والتي تتضمن استخدام بادئات عشوائية مفردة ترتبط بالمواقع المكملة لها على جانبي شريط الدنا ليتم تضاعف المنطقة الواقعة بين موقعين للارتباط تكون قريبة من بعضها الى درجة كافية ليقوم انزيم بلمرة الدنا Taq DNA Polymerase بعمله بالتضاعف، ويمكن الكشف عن التباينات بوجود او عدم وجود القطع المتضاعفة التي تظهر على شكل حزم على الهلام والناجمة من تغير موقع ارتباط الباديء بالمجين [9]. وقد استخدمت مؤشرات الـ DAF في دراسة

رقم البادئ	3→5 تتابع البادئ
OPD.14	CTTCCCAAG
OPM.5	GGGAACGTGT
OPN.7	GGGACCGGAG
OPT.2	GGAGAGACTC
OPX.1	CTGGGCACGA
OPX.8	CAGGGGTGGA

4- خطوات العمل:

يتم اجراء جميع الخطوات تحت هود معقم وبارتداء القفازات ووضع كافة المحاليل على الثلج. تتضمن خطوات العمل ما يلي:

1. تحضير خليط التفاعل Master Mix وذلك باضافة المكونات ادناه الى انبوبة معقمة حجم 1.5 مليلتر وكالاتي:

المكونات	الحجم لعشر عينات	التركيز النهائي
ماء مقطر	150	
محلول منظم بقوة 10x	25	1x
dNTPs	25	200 ملي مول
كلوريد المغنيسيوم	10	6 ملي مول
البادئ	30	30 بيكومول
انزيم التضاعف	2	2.5 وحدة

ثم يضاف (15-20) مايكروليتر من الزيت المعدني وتوصد الانابيب وتوضع في المبلمر الحراري الحلقي وفق البرنامج التالي:

دورة واحدة بدرجة 94°م لمدة اربعة دقائق ثم 40 دورة كل دورة تتضمن: 92°م لمدة دقيقة واحدة و 35°م لمدة دقيقة واحدة و 72°م لمدة خمس دقائق. بعدها ترفع الانابيب من المبلمر الحراري وتؤخذ 2.5 مايكروليتر من تحت الزيت المعدني

أستخدم لذلك المحلول المنظم لانزيم البلمرة PCR buffer بقوة 10x ويتألف من 100 ملي مولر من الترس الحامضي HCl Tris نو الاس الهيدروجيني 8.3 و 50 ملي مولر من كلوريد البوتاسيوم KCl و 0.001% جيلاتين، النيوكليوسيدات منقوصة الاوكسجين الثلاثية الفوسفات (dNTPs) وتشمل (dGTP ، dTTP ، dCTP ، dATP) وكلوريد المغنيسيوم MgCl₂ وانزيم بلمرة الدنا Taq DNA Polymerase ، زيت معدني اضافة الى جهاز المبلمر الحراري الحلقي Thermocycler نوع hybrid كما تم اختيار بادئات Primers عشوائية مجهزة من شركة Operon technologies هذه البادئات هي:

تمزج المكونات جيداً بخلطها بال Vortex لمدة 30 ثانية ثم توضع في المنبذة لعدة ثواني، ثم توزع محتويات الانبوبة على 10 انابيب صغيرة بحجم 0.5 مليلتر معلمة باسماء اصناف الرز العشرة وبواقع 24 مايكروليتر من الخليط لكل انبوبة ثم يضاف 1 مايكروليتر من دنا العينات الى الانبوبة الخاصة بها بتركيز 2.5 نانوغرام/مايكروليتر ليصبح الحجم النهائي 25 مايكروليتر تمزج جيداً وتوضع بالمنبذة لعدة ثواني

المزدوجة وتحول إلى خيوط مفردة بواسطة تسخينها لدقيقتين على درجة 95°م ومباشرةً تغمر في الثلج، ثم يتم تحميل العينات بحجم نهائي يتراوح (5-6) مايكروليتر من عينات الدنا المتضخم ومحلول التحميل في الحفر، وبعد انتهاء وقت الترحيل الذي يستغرق حوالي الساعتين يتم فصل الجهاز عن الكهرباء ثم تنقل الزجاجاة الحاوية على الهلام ويهدوء إلى حاوية تحتوي 2 لتر من محلول الصبغة (نترات الفضة $AgNO_3$) وتوضع على الهزاز لفترة ثلاثون دقيقة. بعدها تنقل الزجاجاة إلى حاوية فيها ماء مقطر غير أيوني وترج على الهزاز لفترة عشرة ثواني ثم ترفع وتوضع مباشرة وبسرعة في محلول التطهير ولفترة من (5-2) دقائق لحين ظهور حزم الدليل الحجمي وحزمة عينة الدنا تترك لساعات حتى يجف الهلام ثم يصور.

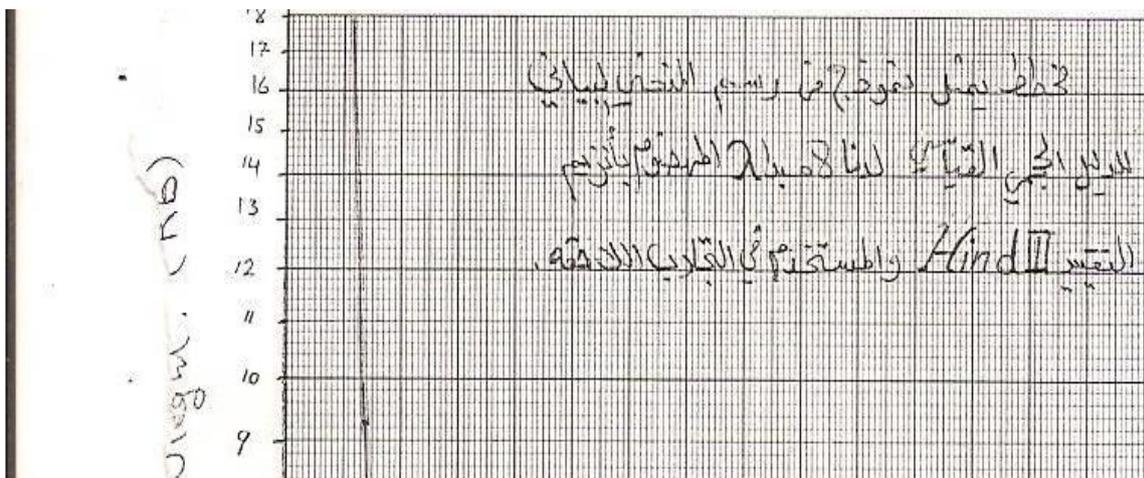
النتائج والمناقشة

تم عزل الدنا الكلي لاصناف الرز بكميات مناسبة وبمعدل يتراوح بين 300-400 مايكروغرام لكل 3 غم من النسيج ونقاوة تراوحت بين 1.65-1.85. ومن خلال ترحيل 2 مايكروليتر من الدنا المجيني لاصناف الرز على هلام الاكاروز وبتركيز 1% تبين ان الحجم الجزيئي للدنا كان بحدود 50Kb بالمقارنة مع 2 مايكروليتر من دنا العايش لامبدا غير المهضوم شكل(1).

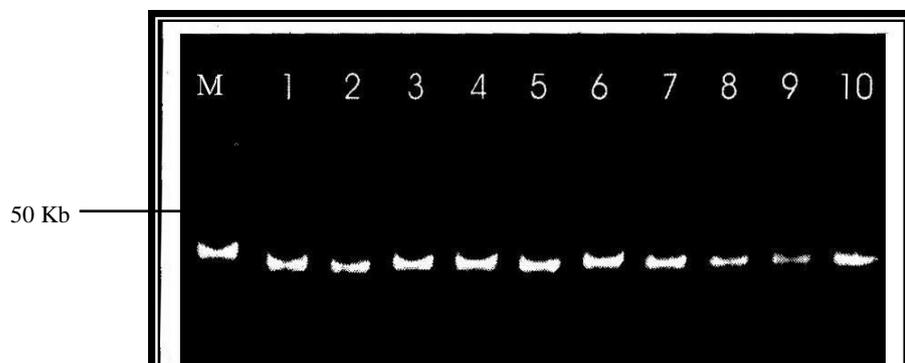
وتمزج مع 3 مايكروليتر من محلول التحميل STR وترحيلها على هلام متعدد الاكريلامايد.

2. تحضير هلام متعدد الاكريلامايد
Polyacrylamide Preparation
وفقاً لما وصف في
Technical manual الوارد من الشركة المجهزة Promga (DNA Silver staining system 1993).
حضر هلام متعدد الاكريلامايد بتركيز 6% لترحيل عينات الدنا المتضاعف بعد تفاعلات ال DAF اعتماداً على [18] وذلك بتحضير 75 مل منه باستخدام المكونات التالية:-

يوربا يُوزن منها 31.5 غم وبتركيز 0.5x و 40% اكريلامايد بتركيز 6% تخلط جيداً هذه المكونات و تدوب بشكل كامل ثم يصب الهلام ، بعدها ترحل العينات كهربائياً وباستخدام الدليل الحجمي وهو البلازمد PGEM المهضوم بثلاثة إنزيمات قاطعة وهي $Hinf 1$, $Rsa 1$, $Sin 1$ منتجة 15 قطعة معروفة الحجم الجزيئي وكالاتي: 36, 45, 65, 75, 126, 179, 222, 350, 396, 460, 571, 676, 1198, 1605, 2645 زوج قاعدي. يؤخذ منه 5 مايكروليتر ويضاف إلى 2.5 مايكروليتر من محلول التحميل Blue / Orange 6x كما يضاف 2.5 مايكروليتر من محلول التحميل إلى 2.5 مايكروليتر من عينة دنا الرز الناتجة من تفاعلات ال DAF تنبذ لثواني لسحب المكونات إلى أسفل الانبوبة. تفصل خيوط الدنا



Distance (cm)



باستخدام هذين البادئين شكل (2). وهذا يتفق مع [20] واللذان وجدنا بانه من مجموع 359 بادئ اظهر 342 بادئ حزمياً متشابهة Monomorphic bands بين العينات المدروسة، وان وجود الحزم المشتركة يعود ربما لارتباط البادئ بمناطق التشابه من مجين الرز *Conerved sequences* ولا يمكن الاعتماد على هذه الحزم في ايجاد البصمة الوراثية او دراسة العلاقة الوراثية لانه في الحالتين فان وجود الحزم المتباينة فقط هي التي تقي بالغرض، لذلك تم اهمال هذه النتائج والاعتماد على نتائج البادئات التي اظهرت حزمياً متباينة فقط.

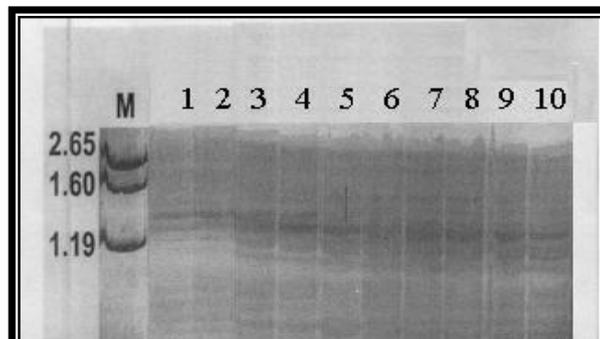
وبعد ضبط جميع مراحل التفاعل، اظهرت مؤشرات الـ DAF نتائج مختلفة وفقاً للبادئات المستخدمة مع 10 اصناف من الرز وكما يلي:

1- البادئان OPM.5 و OPD.14

لم يتم الحصول على أي نواتج تضاعف باستخدام البادئين وهذا يعود الى عدم وجود المواقع المكملة لهذين البادئين في مجين الرز وهذا يتفق مع [19] والذين لم يتمكنوا من تمييز عزلات *Discula destructiva* باستخدام 10 من البادئات العشرية وبتطبيق مؤشرات الـ DAF .

2- البادئان OPT.2 و OPX.8

تم الحصول على حزم مشتركة بين جميع العينات الـ 10 المستخدمة في هذه الدراسة



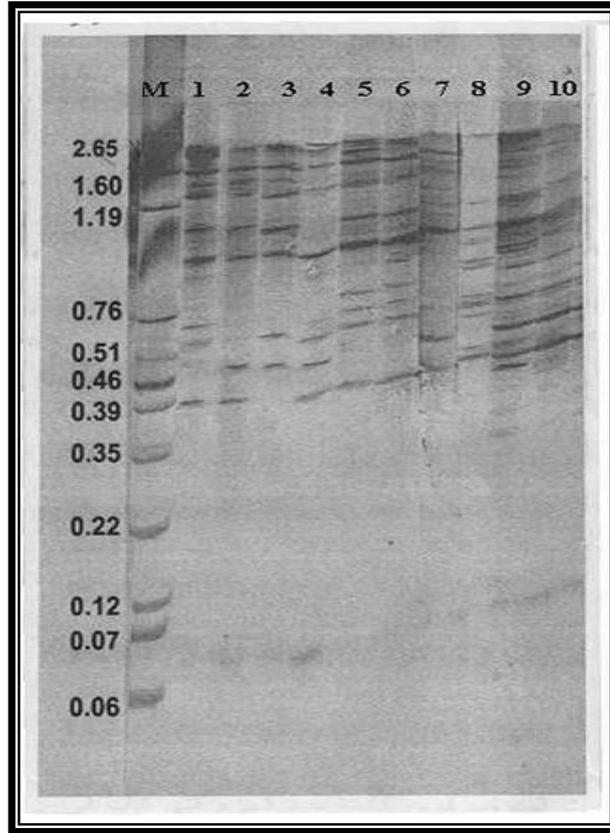
3- البادئان OPN.7 و OPX.1

بالنسبة للبادئ الاول كان عدد الحزم الكلية الناتجة من استخدامه 16 حزمة شكل (3) وهذا العدد يعادل ضعف معدل عدد الحزم الكلية الناتجة من تطبيق مؤشرات الـ RAPD [15]. وهذا يعود وبشكل اساسي اضافة الى تغيير ظروف التفاعل من ناحية مكونات التفاعل الى استخدام هلام متعدد الاكريلاميد في فصل النواتج المتضاعفة والذي يمتاز بقابليته على فصل قطع الدنا ذات الاوزان الجزيئية المتقاربة والتي تظهر على هلام الكاروز بشكل حزمة واحدة اذ ان لهذا الهلام وبتراكيز معينة القدرة على فصل قطع الدنا

التي تختلف عن بعضها بنيوكليوتيده واحدة [16] بالاضافة الى استخدام طريقة الكشف الحساسة وهي صبغة نترات الفضة القادرة على الكشف عن وجود قطع دنا يصل تركيزها الى البيكوغرام [21] في حين ان حساسية صبغة بروميد الاثيدنوم تصل الى 10 بيكوغرام. اما الحجم الجزيئي للقطع المتضاعفة باستخدام هذا البادئ فتراوح بين 70-2645 زوج قاعدي أي ان الحجم الجزيئي لاصغر قطعة متضاعفة كان 70 زوج قاعدي في حين كان الحجم الجزيئي لاصغر قطعة متضاعفة باستخدام مؤشرات الـ RAPD (500) زوج قاعدي [15]، وهذه من مميزات استخدام هلام متعدد الاكريلاميد

الاصناف 14 حزمة والذي ادى الى اختلاف عدد الحزم الناتجة في كل صنف والذي ترواح بين 7 حزم في الصنف اباء 1 الى 16 حزمة في صنف العباسية مما ادى الى ايجاد 10 نسق وراثي تميز هذا النسق في اصناف الرز العشرة المدروسة أي الحصول على بصمة وراثية مميزة لهذه الاصناف باستعمال البادئ OPN.7 بتطبيق مؤشرات الـ DAF.

وهو قدرته على اظهار الحزم ذات الاحجام الجزيئية الصغيرة ولكن في نفس الوقت غير قادرة على فصل القطع ذات الاوزان الجزيئية الكبيرة لذا يقتصر استعماله في انواع المؤشرات التي يتوقع الحصول منها على احجام جزيئية صغيرة فقط ومنها مؤشرات الـ DAF وبالنسبة لعدد الحزم المتشابهة بين جميع الاصناف فقد بلغ 4 حزم في حين بلغ عدد الحزم التي تباينت في ظهورها بين



شكل (3): النواتج المتضاعفة من الدنا الكلي لاصناف الرز المدروسة والمرحلة على هلام البولي اكريلاميد 6% باستخدام البادئ OPN.07 مع الدليل الحجمي pGEM المقطع بثلاث انزيمات تقييد وتمثل الارقام ترتيب الاصناف كالآتي:

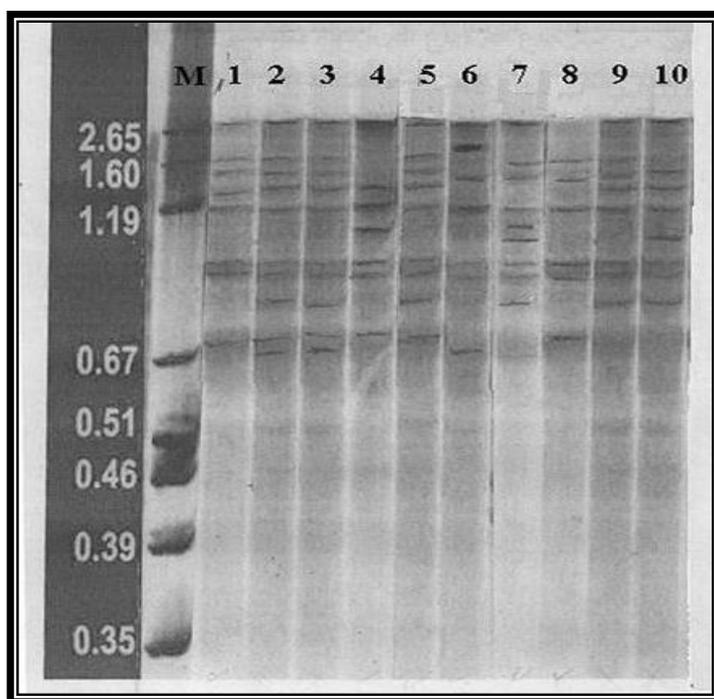
- | | | | | |
|--------------|---------------|----------------|-------------|------------------|
| 1. عنبر محلي | 2. عنبر ابيض | 3. عنبر قصير | 4. اباء 1 | 5. اباء 2 |
| 6. عنبر فرات | 7. عنبر بغداد | 8. عنبر مناذرة | 9. العباسية | 10. بسمتي العراق |

(2650-420) كليو زوج قاعدي اما عدد الحزم الناتجة من استخدام هذا البادئ مع كل صنف فقد ترواحت بين (7-10) حزمة (7 حزم في الاصناف: اباء 1 وعنبر فرات وعنبر مناذرة الى 10 حزم في الاصناف عنبر ابيض، عنبر قصير عنبر بغداد). وهذا الاختلاف ناتج من اختلاف عدد

اما بالنسبة للبادئ OPX.1 فقد تم الحصول على 13 حزمة باستخدام هذا البادئ شكل (4). وهذا العدد من الحزم كان اعلى من عدد الحزم الناتجة من استخدام كل بادئ من البادئات الـ 20 المستخدمة في مؤشرات الـ RAPD [15]، ترواحت الاحجام الجزيئية للقطع المتضاعفة بين

عنبر محلي، اباء 1، اباء 2، عنبر فرات، عنبر بغداد، عنبر مناذرة كما تميز الصنف عنبر فرات بوجود حزمة ذات وزن جزيئي 2558 كيلو زوج قاعدي ظهرت في هذا الصنف فقط دون بقية الاصناف مما يجعل امكانية الاستفادة منها كمؤشر خاص بالصنف Cultivar specific marker ويمكن استرجاع الحزمة من الهلام وكلونتها وتصميم البادئات الملائمة استناداً على تسلسلها لتكون بمثابة مجس مرتبط بهذا الصنف خاصة اذا عرفنا بان استرجاع حزمة من هلام الالكريلاميد اسهل بكثير من استرجاع الحزمة من هلام الاكاروز وذلك لاختصار خطوة التفتية فيها.

المواقع المكملة لتسلسل البادئ في تلك الاصناف والنتيجة من الاختلاف في المادة الوراثية لها والتي يمكن الكشف عنها باستخدام مؤشرات الدنا. وكان عدد الحزم المتشابهة بين جميع العينات المدروسة 4 في حين كانت عدد الحزم التي تباينت من ظهورها بين الاصناف 9 حزم اختلفت هذه الحزم في ظهورها بين الاصناف مما ادى بدوره الى ايجاد عدة انواع من النسق الوراثي (DAF Patterns) بلغ 8 انواع كان هذا النسق متميزاً في 6 اصناف من الرز والذي يعني ايجاد بصمة وراثية لها باستخدام هذا البادئ وهذه الاصناف هي:



شكل (4): النواتج المتضاعفة من الدنا الكلي لاصناف الرز المدروسة والمرحلة على هلام البولي اكريلاميد 6% باستخدام البادئ OPX.01 مع الدليل الحجمي pGEM المقطع بثلاث انزيمات تقييد وتمثل الارقام ترتيب الاصناف كالآتي:

1. عنبر محلي
 2. عنبر ابيض
 3. عنبر قصير
 4. اباء 1
 5. اباء 2
 6. عنبر فرات
 7. عنبر بغداد
 8. عنبر مناذرة
 9. عنبر العباسية
 10. عنبر العراق
- من البادئات التي استخدمت في هذه الدراسة ايجاد البصمة الوراثية الذي يفضل استخدام المؤشر الذي يحوي على عدد اكبر من الحزم والتي تعني كشفها لعدد اكبر من المواقع ومن هنا اقترن تسمية DAF لزيادة استعماله في مجال البصمة الوراثية.

References

التي يمكن الحصول عليها من استعمال عدد قليل

- SDS-PAGE. Rostl Vyr. 41:219-223.
7. Paterson, A.H., Tanksly, S.D. and Sorrell, M.E. 2004, DNA Markers in plant improvement. Adv. Agron.46:39-90.
 8. Caetano-Anolles, G., Bassam, B.J. and Gresshoff, P.M. 1991, DNA amplification fingerprinting using very short arbitrary oligonucleotide primers. Biotechnology. 9:553-557.
 9. Wilde, J. Waugh, R. and Powell, W. 1992, Genetic fingerprinting of Theobroma clones using randomly amplified polymorphic DNA markers. Theor. Appl. Genet. 83:871-877.
 10. Caetano-Anolles, G. and Gresshoff, P.M. 1996, A method for profiling nucleic acid of unknown sequence using arbitrary oligonucleotide primers US. Patent. 5:413-414.
 11. Jarret, R.L. and Austin, D.F. 1994, Genetic diversity and systematic relationship in sweet potato (*Ipomoea batatas*) and related species as revealed by RAPD analysis. Genet. Res. Crop. Evol.41:165-173.
 12. He, G., Prakash, C.S. and Jarret, R.L. 1997, Analysis of genetic diversity in sweet potato (*Ipomoea batatas*) germplasm collection using DNA amplification
 1. Karp, A., Edwards, K.J., Buford, M., Funk. S., Vosman, B., Morgante, M. and Hewitt, G.M. 1997, Molecular technologies for biodiversity evaluation: opportunities and techniques. Nature Biotechnology.15:625-628.
 2. Tilman, D., Wedin, D. and Knopps, J. 1996, Productivity and sustainability influenced by biodiversity in grassland ecosystems. Nature.379:718-720.
 3. Karp, A. and Edwards, K.J. 1997, DNA Markers: a global overview, In: Caetano-Anolles, G. and Gresshoff, P.M. (Eds) DNA markers, Protocols, Application and Overview. Now York.:1-13.
 4. Staub, J.E., Serquen, F.C. and Gupta, M. 1997, Genetic markers, map construction and their application in plant breeding. Hort. Sci. 31:729-741.
 5. Stuber, C.W. and Khanna, K.R. 1991, Isozyme markers and their significance in crop improvement. Biochemical aspects of crop improvement. CRC Press, Boca Raton, USA.:59-77.
 6. Kraic, J., Horvath, L., Gregova, E. and Zak, I. 1995, Standard methods for electrophoretic separation of wheat glutenins and gliadins by

- very short primers. *Plant Mol. Biol. Rep.* 19:18-25.
18. Bassam, B.J., Caetano-Arolles, G. and Gresshoff, P.M. 1991, Fast and Sensitive silver staining of DNA in polyacrylamide gels. *Anal. Biochem.* 38:70-76.
19. Trigiano, R., Caetano-Anolles, G., Bassam, B.J., Weaver, K.R. and Gresshoff, P.M. 2002, DNA amplification fingerprinting of doywood anthracnose Fungi *Proc. South. Nurs. Assn.* 15:10-17.
20. He, G. and Prakash, C.S. 1997, Identification of polymorphic DNA markers in cultivated peanut (*Arachis hypogaea L.*) *Euphytica.* 97:143-149.
21. Bassam, B.J., Caetano-Anolles, G. and Gresshoff, P.M. 1992, DNA amplification fingerprinting of bacteria. *Appl. Microbiol. Biotech.* 38:70-76.
13. Weigand, F., Baum, M. and Udupa, S. 1993, DNA molecular marker techniques. Technical manual. No.20 International Center for Agricultural Research in the Dry Areas, Aleppo, Syria.
14. Sahgi-Marooof, M.A., Soliman, K.M., Jorgens, R.A. and Allard, R.W. 1984, Ribosomal DNA spacer length polymorphisms in barley, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA.* 81:8014-8018.
15. Al-Judy, N.J. 2004, Detecting of DNA fingerprints and genetic relationship analysis in local and Improved Rice (*Oryza sativa L.*) varieties in Iraq using RAPD markers. Ph.D. a thesis. Baghdad University. College of Science.
16. Sambrook, J., Fritsch, E.F. and Maniatis, T. 1989, Molecular cloning: a laboratory manual. 2nd. Cold spring Harbor. N.Y.
17. Caetano-Arolles, G., Bassam, B.J. and Gresshoff, P.M. 1994, DNA amplification fingerprinting with

Use of DAF markers (DNA Amplification Fingerprint) to Assess Genetic Diversity of Rice (*Oryza satival L.*)

*Neamat J. Al-Judy**

* Biology Dept. – College of Science - Baghdad university

Key Words: DNA Amplification Fingerprint, genetic diversity, genetic pattern, DNA Markers

Abstract

This study was carried out to assess genetic diversity of ten cultivars of Rice (*Oryza sativa L.*). One of DNA markers based on Polymerase Chain Reaction (PCR) was used namely DAF markers (DNA Amplification Fingerprint). Six primers were tested, the results showed, that no amplification products using the primers OPD.14 and OPM.5. Two primers (OPX.8 and OPT.2) produced monomorphic band across all cultivars, while only two primers generated polymorphic bands. The number of total bands produced from one of them (OPN.7) were sixteen. Also this primer produced ten polymorphic profiles (DAF patterns) which were unique to the ten cultivars that could be distinguished. The number of total bands generated by primer OPX.1 were thirteen and this primer produced eight polymorphic patterns which was unique for distinguishing six cultivars. This means that DAF markers were able to identify all rice cultivars using only two primers reflecting the high potentialities of these markers for their applications in fingerprinting.